



Bárcena Villa Nueva, 05 de noviembre de 2021

## INFORME SEQ-15-11-2021

Este informe corresponde a la detección de Variantes de preocupación (VOC, por sus siglas en inglés *Variant of Concern*) y variantes de interés (VOI, por sus siglas en inglés *Variant of interest*) en muestras que ingresan al Laboratorio Nacional de Salud para detección y secuenciación del genoma de SARS-CoV-2.

La tabla 1 corresponde a los resultados de 652 muestras recibidas en el LNS del 01 de septiembre al 10 de octubre del año en curso, para secuenciación y diagnóstico. De estas muestras, 457 cumplían con los criterios de inclusión para secuenciación, de las cuales 100 se enviaron al Instituto Conmemorativo Gorgas de Estudio de la Salud (ICGES) de Panamá, obteniendo 94 resultados descritos a continuación:

**Tabla 1. Resultados de secuenciación del genoma de SARS-CoV-2**

| Clasificación OMS de las variantes SARS-CoV-2 | Linaje    | Denominación OMS | Frecuencia | Primera Detección |
|---|-----------|------------------|------------|-------------------|
| <b>VOC</b><br>(Variante de preocupación)      | B.1.617.2 | Delta            | 82         | India             |
|   | AY.25     | Delta            | 5          | India             |
|   | AY.3      | Delta            | 1          | India             |
|   | AY.5      | Delta            | 1          | India             |
|   | AY.34     | Delta            | 1          | India             |
|   | AY.39     | Delta            | 1          | India             |
| Otros   | A.2.5     |                  | 1          |                   |
|   | B.1.628   |                  | 2          |                   |
| <b>TOTAL</b>                                  |           |                  | 94         |                   |

Fuente: Instituto Conmemorativo Gorgas de Estudio de la Salud (ICGES) de Panamá

Se logró la secuenciación genómica completa de 94 muestras, encontrándose 96.8% variantes de preocupación Delta (91/94) y otras variantes que corresponde al 3.2% (3/94) (Ver gráfica 1).

De las 91 VOC secuenciadas, 43 pertenecen al sexo femenino y 48 al sexo masculino, con edades comprendidas entre 1 y 76 años, con una media de 37 años (ver gráfica 2).

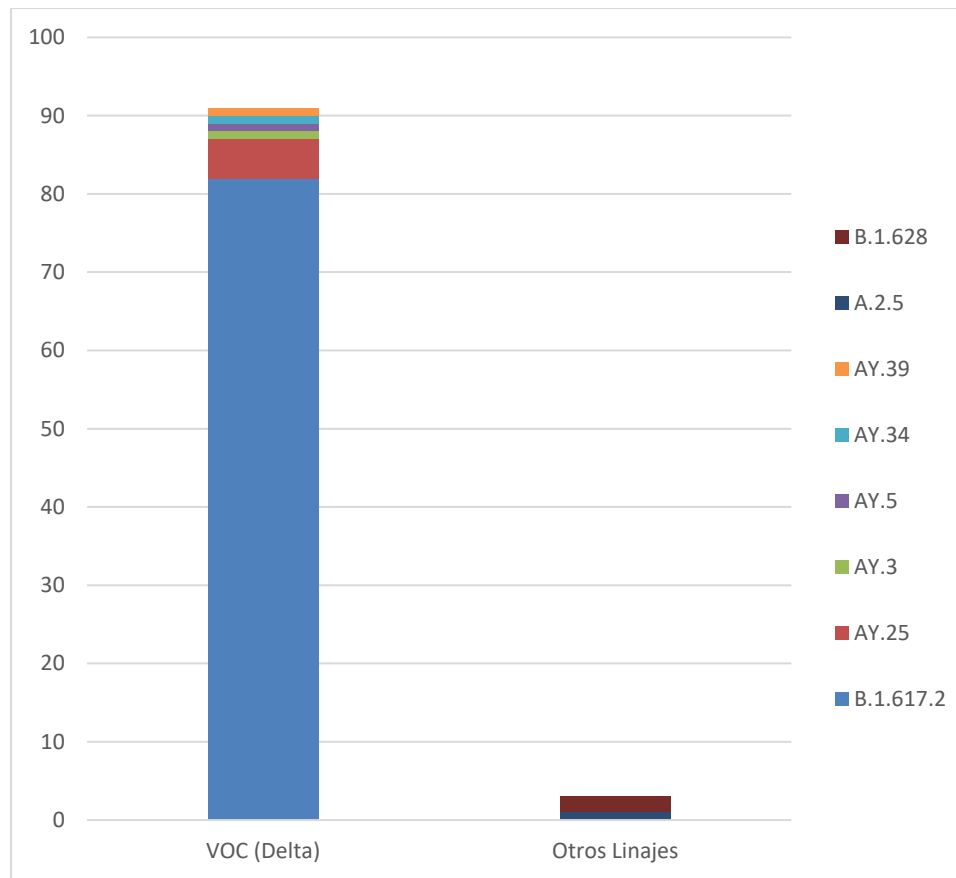
Con respecto a la sintomatología presentada en los casos VOC, el 80% reporta síntomas leves, el 8% severos, el 5% moderados y el 7% no refieren síntomas, distribuidos de manera homogénea en cuanto al género (Ver gráfica 3).

# Laboratorio Nacional de Salud



Las muestras son referidas de los departamentos de Guatemala, Chimaltenango, Alta Verapaz, Escuintla, El Progreso, Quetzaltenango, Retalhuleu, Huehuetenango, Quiché y San Marcos en ninguno de los casos se informa antecedentes de viaje (Ver imagen 1).

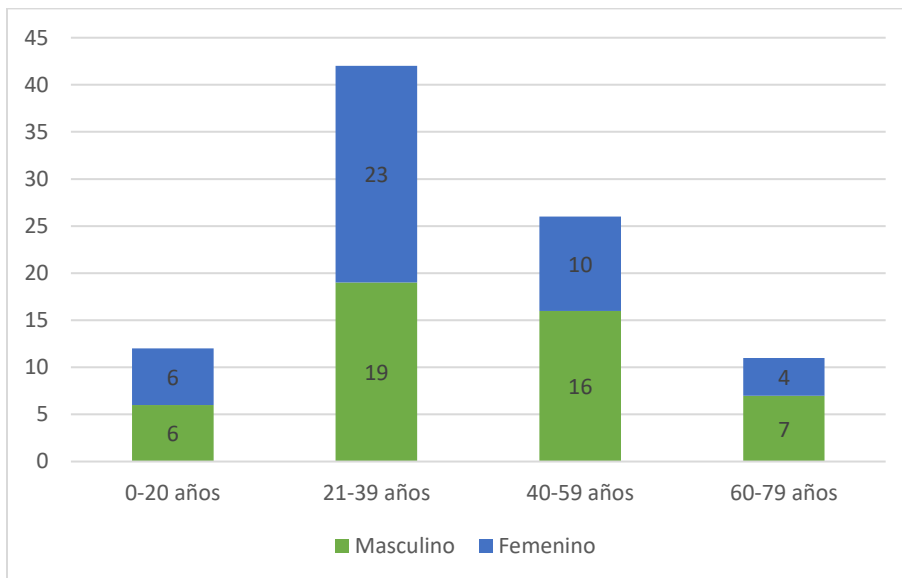
**Gráfica 1. Variantes circulantes en el país**



Fuente: Instituto Conmemorativo Gorgas de Estudio de la Salud (ICGES) de Panamá

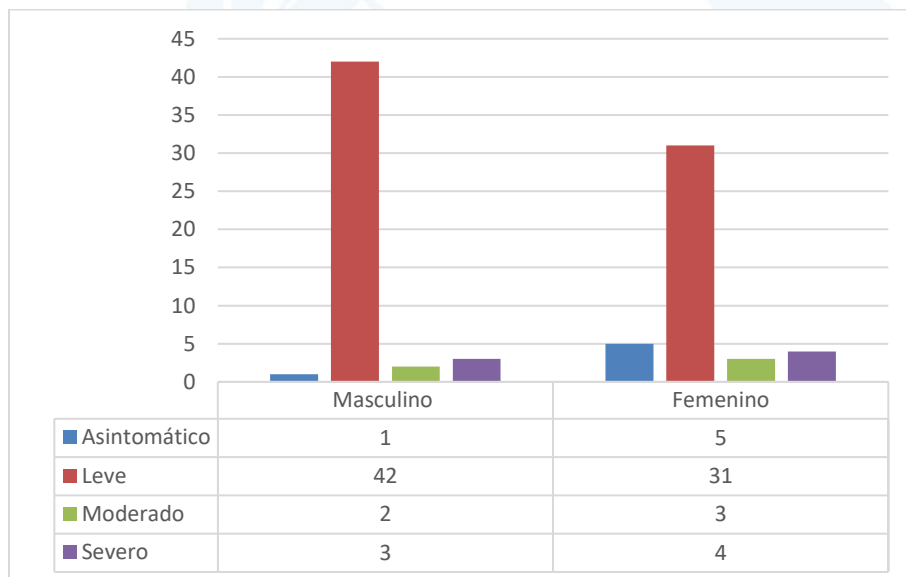
# Laboratorio Nacional de Salud

**Gráfica 2. Clasificación de variantes VOC por género y edad**



Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.

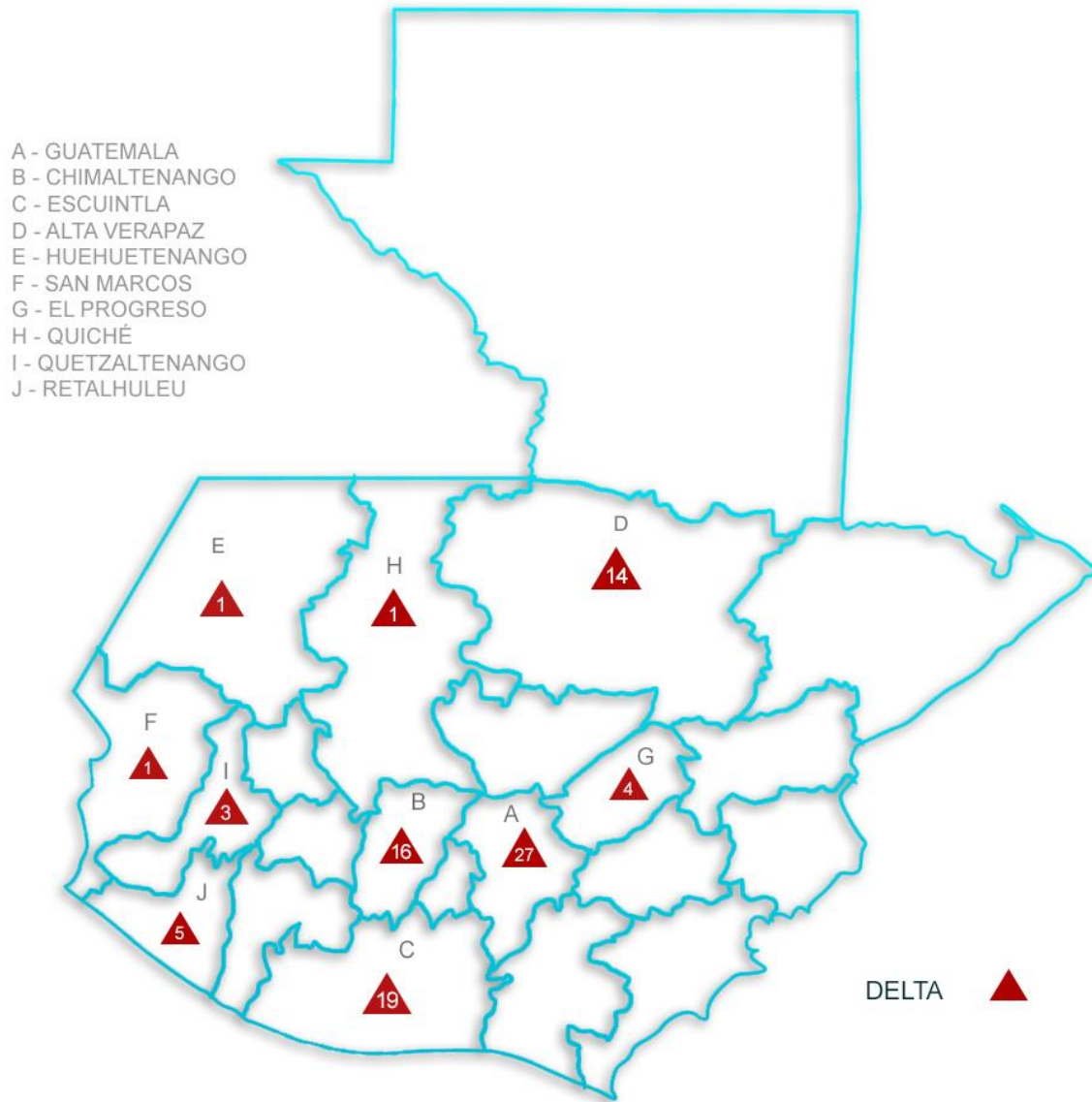
**Gráfica 3. Sintomatología presentada en los casos VOC**



Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.



**Imagen 1. Distribución de las variantes VOC a nivel nacional**



Fuente: Información obtenida de Ficha Epidemiológica Vigilancia Virus Respiratorios – COVID 19.

# Laboratorio Nacional de Salud