



Bárcena Villa Nueva, 2 de septiembre de 2021

INFORME SEQ-08-09-2021

Este informe corresponde a la detección de Variantes de preocupación (VOC, por sus siglas en inglés *Variants of Concern*) y variantes de interés (VOI, por sus siglas en inglés *Variants of interest*) en muestras que ingresan al Laboratorio Nacional de Salud para detección y secuenciación del genoma de SARS-CoV-2.

En el informe SEQ-06-08-2021 se reportó el tamizaje de 2563 muestras. De estas muestras, se seleccionaron y enviaron 180 muestras a ASI; un envío con 90 muestras entregadas en fecha del 05/08/2021, y otras 90 muestras entregadas el 08/08/2021. Del segundo envío, se obtuvo y reportaron los resultados obtenidos en el informe anterior (SEQ-06-08-2021). Además se seleccionaron 100 muestras que fueron enviadas al Instituto Conmemorativo Gorgas de Estudios de la Salud (ICGES), los cuales son los resultados que se presentan a continuación.

La tabla 1 corresponde a los resultados de secuenciación de las muestras ingresadas al LNS del 22 de junio al 6 de agosto (ver informe SEQ-06-08-2021). En dicho informe, de las 2563 muestras tamizadas para VOC, se seleccionaron 100 para su envío al Instituto Conmemorativo Gorgas de Estudios de la Salud (ICGES) de Panamá, obteniendo 78 resultados descritos a continuación:

Tabla 1. Resultados de secuenciación de SARS-CoV-2 en Guatemala, reportados por el Instituto Conmemorativo Gorgas de Estudios de la Salud

Clasificación OMS de las variantes SARS-CoV-2	Linaje	Denominación OMS	Frecuencia	Primera Detección
VOC	B.1.617.2	Delta	3	India
	P.1	Gamma	2	Brasil
VOI	B.1.621	Mu	2	Colombia
Otras	B.1.429	Epsilon	1	Estados Unidos de América
	A.2.5		35	
	A.2.5.1		2	
	B		1	
	B.1		1	
	B.1.1.265		1	
	B.1.1.519		1	
	B.1.153		2	
	B.1.214.3		1	
	B.1.237		4	
	B.1.36.10		1	

Laboratorio Nacional de Salud



B.1.627	6
B.1.628	13
B.1.633	1
B.1.637	1
TOTAL	78

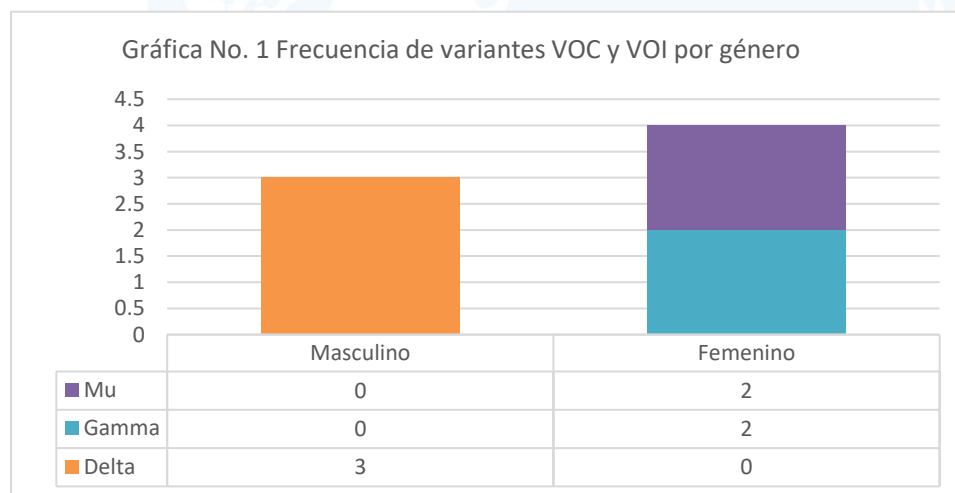
Fuente: Datos obtenidos por el Instituto Conmemorativo Gorgas de Estudios de la Salud, 2021.

VOC: variante de preocupación, VOI: variante de interés.

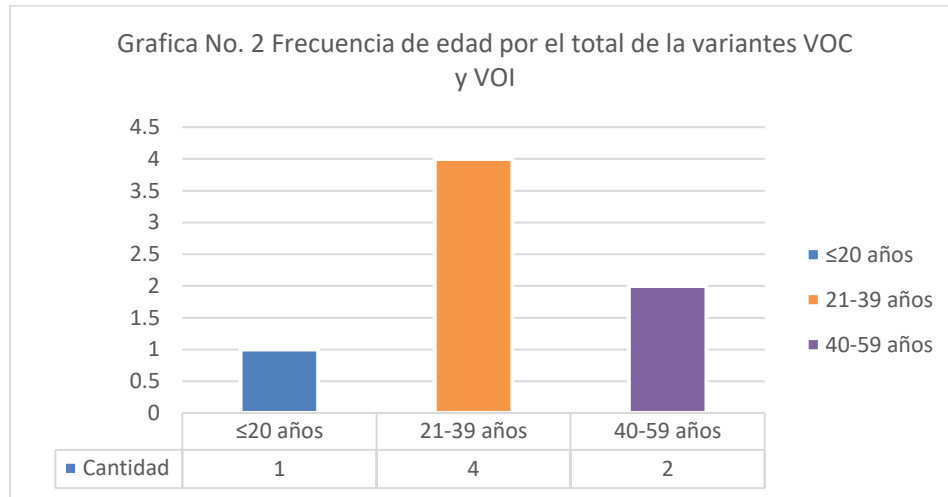
Se logró la secuenciación genómica completa de 78 muestras. Encontrándose las variantes de preocupación (VOC): Delta B.1.617.2 (3), Gamma P.1 (2) y la variante de interés (VOI): Mu B.1.621 (2) (Ver Tabla No. 1).

Las 5 muestras VOC corresponden a 3 pacientes de sexo masculino y 2 de sexo femenino, con edades entre 21 a 48 años de edad con una media de 39 años, todos del departamento de Guatemala. Cuatro de ellos refieren sintomatología leve y uno sintomatología moderada, éste paciente inicio síntomas con un día de inmunizado con la primera dosis.

Se encontró por primera vez en Guatemala la variante de interés Mu, esta fue detectada en Colombia en enero de este año y es considerada según la Organización Mundial de la Salud (OMS) un riesgo emergente para la salud ya que ha demostrado que tiene una transmisión significativa. Este primer reporte de esta variante corresponde a dos pacientes de sexo femenino de 19 y 25 años de edad, con sintomatología leve, sin reporte de viajes, ni antecedentes de vacunación, ambos del departamento de Guatemala según datos de ficha epidemiológica (Ver Grafica No. 1 y No. 2).



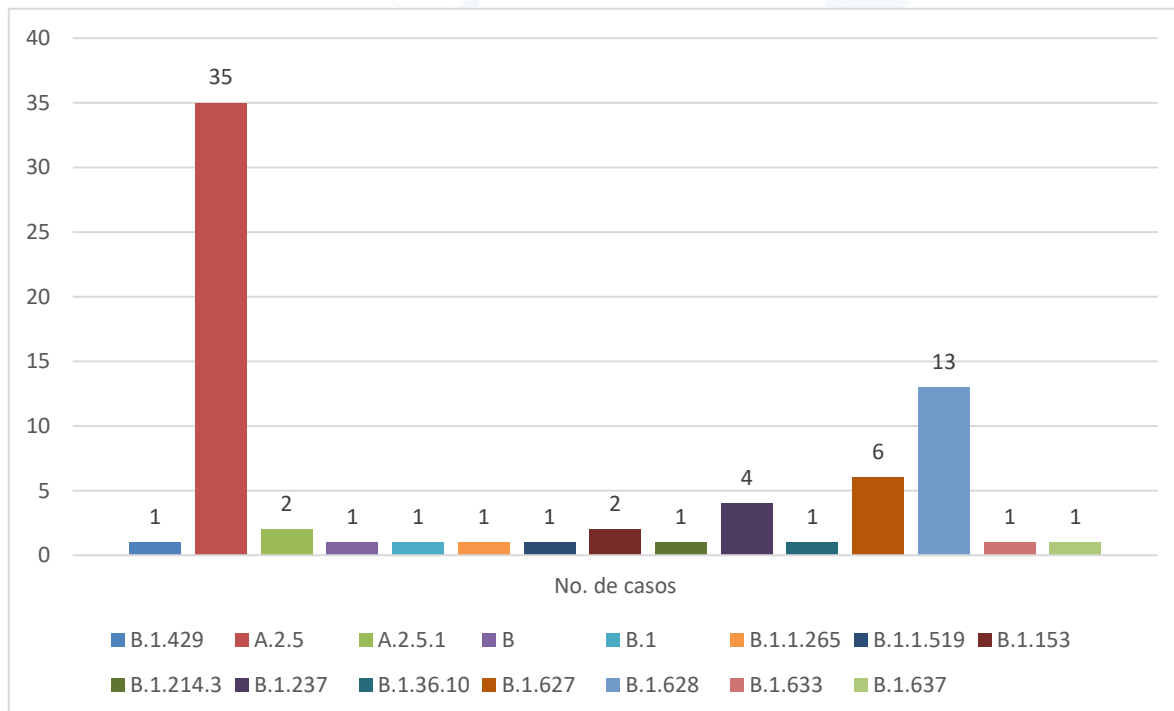
Fuente: Datos obtenidos por el Instituto Conmemorativo Gorgas de Estudios de la Salud, 2021. VOC: variante de preocupación, VOI: variante de interés.



Fuente: Datos obtenidos por el Instituto Conmemorativo Gorgas de Estudios de la Salud, 2021.

La variante Epsilon ya no es considerada una variante de interés por la OMS. Respecto a los otros linajes, se observa que el A.2.5 y el B.1.628 son los predominando en el país (Ver Gráfica No. 3).

Gráfica 3. Otras variantes circulantes a nivel nacional



Fuente: Datos obtenidos por el Instituto Conmemorativo Gorgas de Estudios de la Salud, 2021

Laboratorio Nacional de Salud