

Bárcena Villa Nueva, 8 de septiembre de 2021

INFORME SEQ-09-09-2021

Este informe corresponde a la detección de Variantes de preocupación (VOC, por sus siglas en inglés *Variant of Concern*) y variantes de interés (VOI, por sus siglas en ingles *Variant of interest*) en muestras que ingresan al Laboratorio Nacional de Salud para detección y secuenciación del genoma de SARS-CoV-2.

De las muestras recibidas para secuenciación y diagnóstico de COVID-19 en el LNS del 01 al 17 de agosto se evaluaron y seleccionar 93 muestras que cumplían con los criterios de inclusión para tamizaje de VOC, las cuales fueron secuenciadas por la Asociación de Salud Integral –ASI-, obteniendo 62 resultados descritos a continuación:

Tabla 1. Resultados de secuenciación reportados por la Asociación de Salud Integral -ASI-

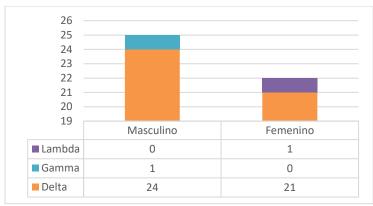
				_
Clasificación OMS de las variantes SARS-CoV-2	Linaje	Denominación OMS	Frecuencia	Primera Detección
AY.3.1	Delta	1	India	
P.1	Gamma	1	Brasil	
VOI (Variante de interés)	C.37	Lambda	1	Perú
				reid
Otras	A.2.5		4	7 4
	A.2.5.1		1	
	B.1		2	
	B.1.153		1	
	B.1.628		7	
	TOTAL		62	

Fuente: Datos obtenidos por la Asociación de Salud Integral-ASI-, 2021.

Se logró la secuenciación genómica completa de 62 muestras. Encontrándose las variantes de preocupación: Delta B.1.617.2 (44), Delta AY.3.1 (1) y Gamma P.1 (1), además de la variante de interés: Lambda C.37 (1). Las 46 muestras VOC corresponden a 25 pacientes de sexo masculino y 21 de sexo femenino, con edades entre 0 a 80 años con una media de 36, procedentes de los departamentos de Guatemala, Chimaltenango, Chiquimula, Escuintla, El Progreso, Quiché, Totonicapán y Alta Verapaz (ver gráfica 1 y gráfica 2).

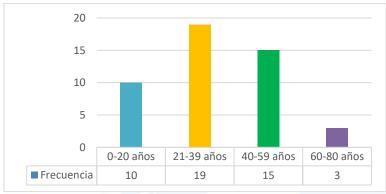


Gráfica 1. Clasificación de variantes VOC y VOI por género



Fuente: Información obtenida de ficha epidemiológica.

Gráfica 2. Clasificación de variantes VOC y VOI por edades



Fuente: Información obtenida de ficha epidemiológica

Se resalta el caso de un recién nacido de 23 días de edad, con sintomatología moderada, del departamento de Totonicapán, en la que se detectó la variante Delta.

De los pacientes con VOC, el 35% (n=16/46) refieren antecedentes de vacunación, 10 de ellos con esquema completo. La mayoría de pacientes inmunizados no presentaron síntomas o sus síntomas fueron leves (ver gráfica 3).



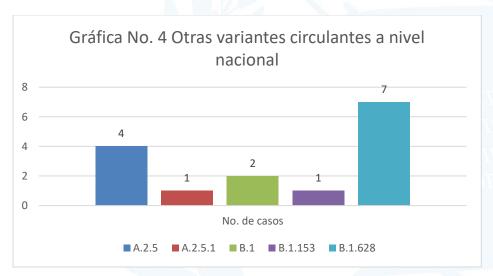
12
10
8
6
4
2
O Asintomático Leve Moderado Severo
Inmunizado No Inmunizado

Gráfica 3. Inmunización y sintomatología en pacientes con VOC

Fuente: Información obtenida de ficha epidemiológica

Además, se encontró la variante de interés Lambda en un paciente femenino de 47 años de edad, de Chimaltenango, con sintomatología leve, sin reporte de viajes y una dosis de vacunación.

Respecto a los otros linajes, se observa que el A.2.5 y el B.1.628 continúan con mayor frecuencia en el país (ver gráfica 4).



Gráfica 4. Otras variantes circulantes a nivel nacional

Fuente: Datos obtenidos por la Asociación de Salud Integral-ASI-, 2021.



Pág. 4 de 4



Del total de muestras secuenciadas, 11 informan antecedentes de viaje, siendo la mayoría deportados de México, 10 de ellos asintomáticos y 1 con síntomas leves. En 9 de ellos se detectó la variante Delta B.1.617.2 y en uno se reportó por primera vez en el país la variante Delta AY.3.1 en un paciente con antecedentes de viaje a Estados Unidos.

A continuación, se representa la distribución de las Variantes de Preocupación e Interés en el territorio nacional.

Mapa con Distribución de las variantes VOC y VOI a nivel nacional

